

Fiche d'évaluation génomique

| | Animal | Père | Mère | Grand-père |
|-------------------|---|---------------|---------------|---------------|
| Nom | PANDA | EPERNAY | LOIRE | GOOGLE SC |
| N° National | FR 8500105301 | FR 5109037940 | FR 8566564891 | FR 7613879953 |
| Race | 38 | | | |
| Date de naissance | 02/09/2019 | | | |
| Cheptel détenteur | FR85268116 GAEC LA HAIE 85220 ST REVEREND | | | |

Index génomiques

Index calculés par Gènes Diffusion

Date d'évaluation : 04/09/2020

| Index de Morphologie | | CD |
|----------------------|-----|------|
| DMDos g | 4.3 | 0.57 |
| DMArM g | 5 | 0.58 |
| DSLon g | 5.5 | 0.57 |
| DSLar g | 4.9 | 0.55 |
| DSGab g | 4.8 | 0.59 |
| Mufle g | 4.9 | 0.55 |
| AAV g | 6 | 0.40 |
| AAr g | 8.3 | 0.41 |
| Rec g | 8.8 | 0.52 |

| Index de Production | | CD |
|-------------------------|-----|------|
| Naissance g (Nai g) | 5.9 | 0.71 |
| Croissance g (Cr g) | 7.7 | 0.61 |
| Dév. Musculaire (DM g) | 4.8 | 0.62 |
| Dév. Squeletique (DS g) | 5.5 | 0.58 |
| Vêlage g (Vel g) | 6.5 | 0.40 |
| Lait g (Lai g) | 4.9 | 0.43 |

| Index de Morphologie | |
|---|-----|
| Longevité de la Mamelle (LoM g) | 2.7 |
| Fonctionnalité des Trayons (FoT g) | 5.4 |
| Solidité des Aplombs Arrières (SolAr g) | 4.7 |

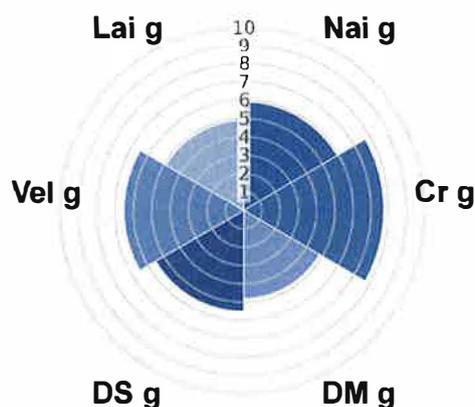
| Index de Comportement | |
|-----------------------|-----|
| COMPhve g | 4.9 |
| COMPVel g | 6.1 |

| Statuts génétiques | | |
|--------------------|------|------------------------------|
| Test | Type | Résultat |
| Sans corne | M | P/+ (Hétérozygote) |
| Culard | M | +/+ (Homozygote non porteur) |
| Mh BEEF | M | +/+ (Homozygote non porteur) |
| Ataxie | M | G/G (Homozygote non porteur) |
| Blind | M | +/+ (Homozygote non porteur) |
| DEA | M | +/+ (Homozygote non porteur) |

Système de notation des Index



(Pour chaque index, les scores varient toujours de 0 à 10, 5 étant le score intermédiaire)



Index Génomique

gIBOVAL

Type Résultat : IPVGENO

Date évaluation : 27/11/2020

| | IFNAIS | CRsev | DMsev | DSsev | FOSse | ISEVR | AVel | ALait | IVMAT | ICRCjbf | CONFjbf | IABjbf |
|----|--------|-------|-------|-------|-------|-------|------|-------|-------|---------|---------|--------|
| | 102 | 118 | 100 | 117 | 94 | 119 | 109 | 109 | 121 | 113 | 102 | 113 |
| CD | 0.52 | 0.43 | 0.56 | 0.47 | 0.46 | 0.47 | 0.39 | 0.35 | 0.48 | 0.38 | 0.48 | 0.4 |